



Date de Prélèvement : ..... / ..... / ..... Heure de prélèvement : ..... : .....

**NOM de NAISSANCE** : .....

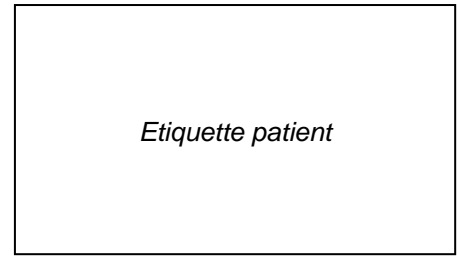
**PRENOM** complet du patient : .....

SEXE : F  M  DATE de NAISSANCE : ..... / ..... / .....

**NOM (Marital) complet du patient** : .....

Centre demandeur : ..... Service : .....

**Médecin prescripteur** : .....



Etiquette patient

**Le patient s'oppose-t-il à la conservation de ses prélèvements ?**  oui  non  
 Réponse OBLIGATOIRE.

Informations cliniques, caryotype, traitement éventuel :

**STADE DE LA MALADIE : Diagnostic**  Avéré  Suivi  Rémission  
 Suspicion  Rechute  Post-allogreffe

**RENSEIGNEMENTS CLINIQUES :**  LMC  TE  PV  MF  
 LAL  LAM  SMD  LMMC  VEXAS  
 LLC  LNH folliculaire  LNH Manteau  Waldenström  SHE  
 Leucémie Prolymphocytaire T  LGL  Autres (préciser) : .....

**PRELEVEMENT (stockage à 4°C) :**  Sang  Moelle  Autre (préciser) : .....

**ANALYSE(S) DEMANDEE(S) :**

**Congélation seule** (conservation pour analyse moléculaire ultérieure)

**LMC**

- Recherche du réarrangement *BCR-ABL1\** : Diagnostic
- Quantification du transcrite *BCR-ABL1* : Suivi
- Mutations du domaine tyrosine kinase d'*ABL1*

\* Joindre impérativement le résultat de la NFS.

**SMP non LMC**

Bilan mutationnel : *JAK2 V617F* puis *JAK2 exon12* ou *CALR/MPL* en fonction des renseignements cliniques\*

Recherche isolée :  *JAK2 V617F\**  *JAK2 exon12\**  *CALR\**  
 *MPL W515*

**Panel NGS SMP (10 gènes) :** *ASXL1, CALR, CBL, CSF3R, ETNK1, JAK2, KIT, MPL, SETBP1, SH2B3*

**Panel NGS myéloïde complet (> 80 gènes)**

\* Joindre impérativement le résultat de la NFS.

**LAM (NB : en cas de demande urgence, utiliser l'ordonnance dédiée)**

**Bilan diagnostique standard**

- |   |  |
|---|--|
| Mutations géniques :                                | Analyses transcriptionnelles :                                   |
| <input type="checkbox"/> <i>NPM1</i>                | <input type="checkbox"/> Surexpression <i>WT1</i>                |
| <input type="checkbox"/> <i>CEBPA</i>               | <input type="checkbox"/> Surexpression <i>EVI1/MECOM</i>         |
| <input type="checkbox"/> <i>FLT3-ITD</i>            | <input type="checkbox"/> Transcrits de fusion dont <i>RUNX1-</i> |
| <input type="checkbox"/> <i>FLT3-TKD</i>            | <i>RUNX1T1, CBFβ-MYH11, MLLT3-KMT2A,</i>                         |
| <input type="checkbox"/> <i>IDH1</i> et <i>IDH2</i> | <i>DEK-NUP214, NUP98-NSD1</i>                                    |

**Suivi de la maladie résiduelle**

- Mutations de *NPM1* (type A, B, D et variants rares)
- Expression de *WT1*
- Transcrit *RUNX1-RUNX1T1 (AML1-ETO)*
- Transcrit *CBFB-MYH11*
- Transcrit *MLLT3-KMT2A (AF9-MLL)*
- Autre cible sur demande (préciser) : .....

**LAM / SMD / LMMC / autres hémopathies**

**Panel NGS myéloïde complet (> 80 gènes)**

(NB : en cas de demande urgence, utiliser l'ordonnance dédiée)

**Panel NGS de prédisposition\* (17 gènes) :**

*ANKRD26, CEBPA, CHEK2, DDX41, DHX34, ETV6, GATA2, IKZF1, MBD4, PAX5, RUNX1, SAMD9/SAMD9L, SRP72, TERC, TERT, TP53*

\* Joindre le consentement adapté.

**Hyperéosinophilies / SHE**

- Transcrit *FIP1L1-PDGFRα*
- Clonalité T
- Panel NGS hyperéosinophilie



**VEXAS :**  Mutations *UBA1*  Panel NGS myéloïde

**LAL**

**Bilan diagnostique**

- Marqueurs de clonalité LAL-B et T (réarrangements Ig/TCR)
- Transcrits de fusion dont *BCR-ABL1, KMT2A-AFF1, ETV6-RUNX1, TCF3-PBX1, TCF3-HLF, STIL-TAL1* et B-others.
- Surexpressions *HOX11 (TLX1), HOX11L2 (TLX3), WT1* (si LAL-T)
- MLPA : délétions *IKZF1* et *ERG* (LAL-B) / délétions *PTEN* (LAL-T)
- Panel NGS LAL (classifier T ou B)
- SNP-array (Cytoscan HD)



**Suivi de la maladie résiduelle**

- Ig/TCR sur ADN
- BCR-ABL1* sur ARN
- Autre cible sur demande (préciser) : .....

**Hémopathies lymphoïdes chroniques**

- Clonalité B  Clonalité T
- Surexpression de *BCL1 / t(11;14)/ Cycline D1*
- Réarrangement *BCL2-JH / t(14;18)*
- Réarrangement *NPM-ALK / t(2;5)*
- Mutations  *MYD88 L265P*  *BRAF V600E*
- Statut mutationnel des IgVH dans les LLC**
- Panel NGS syndromes lymphoprolifératifs/LNH\***
- Orientation B** (LLC, MZL, Manteau, Waldenström...)
- Orientation T** (LGL, TPLL, LNH-T...)

\* Diagnostic à préciser impérativement



**Informations sur les panels NGS en scannant le QR code :**

SIL-FE-CBP-238 Version 8  
 Version : Janvier 2022

